

## مراجعة الفصل الثاني RNA وتخليق البروتين والهندسة الوراثية

### الاحماض النووية الريبوزية

- شريط RNA مضرد يتكون من وحدات «نيوكليوتيدات» وتتكون كل نيوكليوتيدة من :-
- جزئ سكر خماسي الكربون يسمى الريبوز (يحتوي ذرة اكسجين اكثر من ديوكسي ريبوز) - مجموعة فوسفات
- تتصل بلذرة الكربون (٥) لجزئ السكر
- قاعدة نيتروجينية تتصل بلذرة الكربون (١) لجزئ السكر (أدينين (A) - جوانين (G) - سيتوزين (C) - يوراسيل (U))

الحمض النووي الرسول m-RNA	الحمض النووي الريبوسومي r-RNA	الحمض النووي الناقل t-RNA
<p>ينسخ RNA من أحد شريطي DNA بواسطة أنزيم بلمرة RNA من عند تتابع النيكلوتيدات على DNA يسمى المحفز (تتابع من نيوكليوتيدات يوجد على أحد شريطي DNA يوجه أنزيم بلمرة RNA نحو الشريط المراد نسخه) - يتفصل شريطي DNA عن بعضهما حيث يعمل أحدهما كقالب لبناء RNA حيث يقوم الأنزيم ببناء RNA في اتجاه ٥' - ٣' القالب في اتجاه ٥' - ٣'</p>	<p>ينسخ من أكثر من ٦٠٠ جين لتكوين ٤ أنواع التركيب الكيميائي للريبوسومات : ٤ أنواع من r-RNA + ٧٠ نوع من عديدات الببتيد تتكون الريبوسومات في النوية وتفرج للسيتوبلازم بالآلاف كل ساعة يوجد أكثر من نوية في بعض الخلايا الغدية لإنتاج عدد أكبر من الريبوسومات لإنتاج البروتينات التركيب الوظيفي للريبوسوم : يتكون من تحت وحدتين أحدهما كبيرة والأخرى صغيرة ويوجد على القطعة الكبرى موقعين : الببتيديل (P) وأمينوأسيل (A) ترتبط كل تحت وحدة كبيرة بتحت وحدة صغيرة عند بدء تكوين سلسلة عديد الببتيد ويفصلان عن بعضهما عند الانتهاء من تطبيق البروتين</p>	<p>في بداية كل m-RNA يوجد موقع الارتباط بالريبوسوم وهو تتابع للنوكليوتيدات يرتبط بالريبوسوم - يوجد كودون البدء AUG الذي يمثل شفرة حمض الميثيونين وهو يؤدي الى بدء عملية تخليق البروتين - في نهاية m-RNA يوجد كودون الوقف (UAA, UGA, UAG) وذيل عديد الأدينوزين (يتكون من حوالي ٢٠٠ قاعدة أدينين) كالهمل لا يمثل شفرة لأحماض أمينية - يعمل هذا الذيل لحماية m-RNA من التحلل في السيتوبلازم بواسطة الأنزيمات الموجودة فيه</p>
		<p>ينسخ من جينات على DNA توجد في تجمعات من ٧-٨ جينات شريط مضرد ويترادج في بعض أجزاء يوجد موقعان على t-RNA هما دور في تخليق البروتين هما : CCA : يوجد عند الطرف وهو الخاص بالارتباط مع الحمض الأميني الخاص به مقابل الكودون : الذي تتزاوج قواعد مع قواعد m-RNA بحيث يحدث ارتباط مؤقت بين t-RNA و m-RNA مما يسمح للحمض الأميني المحمول على t-RNA بالدخول في سلسلة عديد الببتيد يقوم t-RNA بنقل الأحماض الأمينية إلى الريبوسومات. لكل حمض أميني t-RNA ناقل خاص به يقوم بنقله الأحماض الأمينية التي لها أكثر من شفرة يكون لها أكثر من نوع من t-RNA لذا يكون عدد t-RNA أكثر من ٢٠ نوع</p>

### الشفرة الوراثية

الشفرة أحادية	١٤	٤ احتمالات	١٦ حمض أميني بلاشفرة
الشفرة ثنائية	٢٤	١٦ احتمال	١٤ أحماض أمينية بلاشفرة
الشفرة ثلاثية	٣٤	٦٤ احتمال	كل حمض أميني له شفرة أو أكثر

تتابع من النيوكليوتيدات في ثلاثيات على mRNA والتي تم نسخها من أحد شريطي DNA

### الكودون

شفرة الحمض الأميني وتتكون من ٣ نيوكليوتيدات

ترجمة البروتين		نسخ RNA		تضاعف DNA	
أوليات النواة	حقيقيات النواة	أوليات النواة	حقيقيات النواة	أوليات النواة	حقيقيات النواة
يتم في السيتوبلازم	يتم في النواة	يتم في السيتوبلازم	يتم في النواة	يتم في النواة	يتم في السيتوبلازم
انزيم نازع للماء (من القطعة الكبرى) يعمل على تكوين الروابط الببتيدية بين الاحماض الامينية	لكل نوع من RNA له انزيم بلمره خاص ينسخه	انزيم بلمره ينسخ كل الانواع الثلاثة	انزيم نازع للماء (من القطعة الكبرى) يعمل على تكوين الروابط الببتيدية بين الاحماض الامينية	انزيمات اللولب - البلمرة - الربط	انزيمات اللولب - البلمرة - الربط
تكوين سلسلة عديد بيتيد من m-RNA	تكوين RNA من أحد شريطي DNA	تكوين RNA من أحد شريطي DNA	تكوين سلسلة عديد بيتيد من m-RNA	تكوين 2 جزئ DNA من جزئ واحد DNA	تكوين 2 جزئ DNA من جزئ واحد DNA
يحدث من كودون البدء وحتى كودون الوقف	يحدث في جزء من DNA (ومن أحد شريطيه)	يحدث في جزء من DNA (ومن أحد شريطيه)	يحدث من كودون البدء وحتى كودون الوقف	يحدث بطول جزئ DNA ومن كلا شريطيه	يحدث بطول جزئ DNA ومن كلا شريطيه
يبدأ تخليق سلسلة عديد الببتيد بعد الانتهاء من عملية النسخ	يبدأ تخليق سلسلة عديد الببتيد أثناء عملية النسخ	يبدأ تخليق سلسلة عديد الببتيد أثناء عملية النسخ	يبدأ تخليق سلسلة عديد الببتيد بعد الانتهاء من عملية النسخ	يبدأ تضاعف DNA عند بدء انقسام الخلية	يبدأ تضاعف DNA عند بدء انقسام الخلية
تحتاج الى احماض امينية	تحتاج الى ريبونيكليوتيدات	تحتاج الى ريبونيكليوتيدات	تحتاج الى احماض امينية	تحتاج الى نيكليوتيدات	تحتاج الى نيكليوتيدات

تتابع لا ينسخ ولا يترجم	الاجزاء التي بلا شفرات على DNA الحبيبتان الطرفيتان للكروموسوم - بداية كل جين
تتابع ينسخ ولا يترجم	كودونات الوقف UAG-UGA-UAA تعمل على ايقاف عملية الترجمة ولا تمثل شفرات لاحماض امينية
تتابع لا ينسخ ويترجم	المادة الوراثية لبعض الفيروسات التي محتواها RNA مثل فيروس الايدز
تتابع ينسخ ويترجم	كل شفرات الاحماض الامينية (٦١ شفرة)

لا يوجد t-RNA يحمل مضاد كودونات AUU-ACU-AUC لانها تقابل كودونات الوقف على m-RNA وهذه الكودونات لا تمثل شفرات لاحماض امينية

## تخليق البروتين :

- يخرج m-RNA من شوب الغشاء النووي الى السيتوبلازم
- ترتبط وحدة الريبوسوم الصغرى بـ m-RNA من جهة الطرف 5 بحيث يكون أول كودون AUG متجها للخارج
- يأتي t-RNA حاملا حمض الميثونين ويرتبط مضاد الكودون مع قواعد AUG على m-RNA وبذلك يصبح الميثونين أول حمض اميني في سلسلة عديد الببتيد (مضاد الكودون على t-RNA الذي يحمل الميثونين هو UAC)
- ترتبط تحت وحدة الريبوسوم الكبرى بالركب السابق وعندئذ تبدأ تفاعلات بناء البروتين
- يقوم t-RNA 1 بنقل الحمض الاميني الثاني حسب شفرته على m-RNA بحيث يصبح الحمض الاميني الثاني في موقع الامينواسيل (A) ثم يحدث تفاعل نقل الببتيديل ينتج عنه ارتباط الحمض الاميني الاول بالثاني برابطة ببتيدية فيما عدا انزيم منشط تنتجه تحت وحدة الريبوسوم الكبرى .
- يتكرر t-RNA الذي كان يحمل الميثونين موقع الريبوسوم ليلتقط ميثونيا اخر اما t-RNA 1 الآخر فيحمل الحمضين الامينين
- تتحرك الريبوسوم على امتداد m-RNA بحيث يصبح الموقع A خالي ويصبح الحمض الاميني الثاني امام الموقع P
- يقوم t-RNA 2 بنقل الحمض الاميني الثالث حسب شفرة m-RNA بحيث يصبح هذا الحمض في موقع (A)
- يحدث تفاعل نقل الببتيديل حيث يرتبط الحمض الاميني الثاني بالثالث برابطة ببتيدية .... وهكذا
- تقف عملية بناء البروتين عندما يصل الريبوسوم الى كودون الوقف على m-RNA حيث يرتبط بروتين يسمى عامل الاطلاق بكودون الوقف ما يجعل الريبوسوم يترك m-RNA وتنفصل وحدتا الريبوسوم عن بعضهما وتحرر سلسلة عديد الببتيد المتكونة

**عديد الريبوسوم** يتم ترجمة mRNA إلى البروتين المقابل من خلال عدد من الريبوسومات يصل إلى مائه تتحرك في تتابع منتظم على mRNA لفتح كميات كبيرة من البروتين

### التكنولوجيا الجزيئية - الهندسة الوراثية

DNA معاد الاتحاد	DNA مهجن	
إدخال جزء من DNA الخاص بكائن حي إلى خلايا كائن حي آخر ويمكننا باستخدام هذه التقنية من إدخال جينات طبيعية إلى خلايا بها جينات غير سليمة	لؤلؤ مزدوج يتكون من شريطين أحدهما من كائن والشريط المتكامل معه من كائن آخر (أي شريطين مفردين من DNA أو RNA يمكنهما أن تتزاوج إذا وجد بينهما قتايعات ولو قصيرة من القواعد المتكاملة)	التعريف
١. قطع كل من DNA والبلازميد بانزيم قصير من نفس النوع للحصول على أطراف لاصقة متماثلة ٢. يتم لصق الأطراف اللاصقة بواسطة انزيم الربط ٣. يتم إدخال البلازميد المعدل (معاد الاتحاد) إلى البكتيريا أو فطر الخميرة أو إلى خلايا أخرى	١. مزج الأحماض النووية من مصدرين مختلفين (نوعين من الكائنات الحية) ثم رفع درجة الحرارة إلى ١٠٠ م يؤدي ذلك إلى كسر الروابط الهيدروجينية وانفصال جزيئات DNA إلى أسطح مفردة. ٢. يتم تبريد الخليط فيحدث ازدواج القواعد النيتروجينية المتكاملة بين الشرائط المختلفة عن طريق تكوين روابط هيدروجينية جديدة	طريقة الحصول عليه
١. علاج مرضى السكر (نقص الأنسولين) : • يتم زرع بلازميد يتولى إنتاج الأنسولين داخل خلايا بكتيرية فتصبح البكتيريا منتجة الأنسولين ويمكن زرعها في أمعاء الإنسان • الأنسولين البشري المصنع بواسطة DNA معاد الاتحاد (في البكتيريا) الأفضل لبعض المرضى الذين لا يتحملون الشقوق الطفيلية بين الأنسولين البشري والأنسولين المستخلص من بنكرياس الماشية ٢. علاج مرضى نقص الانترفيرون :- • الانترفيرون :- بروتين يتكون داخل خلايا الجسم (تنتجه الخلايا المصابة) ويقاوم تصاعف الفيروسات التي تحتويها الجيني RNA (مثل فيروس شلل الأطفال أو الأنفلونزا) ويقلل من الإصابة بمرض السرطان - تم عزل ١٥ جينا للانترفيرون ٣. إدخال جينات مقاومة لبعض امراض نباتات المحاصيل وتقاوم نمو الاعشاب الضارة ٤. نقل جينات مسؤلة عن تكوين العقد البكتيرية على جذور البقوليات (البقولية) إلى نباتات محاصيل أخرى بهدف الاستفادة من قدرة هذه البكتيريا على تثبيت نتروجين الهواء بدلًا من تسميد التربة ٥. زرع جين العيون الحمراء من سلالة الدروسفيليا محل جين سلالة أخرى (ذات عيون بيضاء) في خلايا مقترنها إن تكون أعضاء تكاثر فهدت نمو الأجنة انتجت أفراد تحمل صفة الجين المزروع (كانت العيون ذات لون أحمر بدلًا من اللون البني) ٦. إدخال جين يحمل شفرة هرمون النمو من فأر من النوع الكبير إلى فئران من النوع الصغير، فهدت هذه الفئران وأصبحت في حجم الفئران الكبيرة، وقد انتقلت هذه الصفة إلى الأجيال التالية	١. الكشف عن وجود جين معين داخل محتواه الجيني وكميته . • يتم ذلك عن طريق تكوين شريط مفرد من DNA صناعي باستخدام عناصر مشعة (حتى يسهل التعرف عليه بعد ذلك) • يخلط شريط DNA المشع مع جينات المحتوى الجيني ويرفع درجة الحرارة إلى ١٠٠ م ثم تبرد بهدف الحصول على DNA مهجن (أحد شريطين طبيعي والشريط المتكامل معه مشع) • في حالة تكوين هذا DNA المهجن يكون دليل على وجود DNA المراد البحث عنه وأيضا يمكن تحديد كميته من خلال السرعة التي يتكون بها اللوالب المهجنة. ٢. تحديد درجة القرابة بين الكائنات الحية (تعدد العلاقات التطورية بين الأنواع المختلفة) : • نحصل على DNA مهجن من نوعين مختلفين من الكائنات ثم نرفع درجة حرارتها. كلما كان درجة الحرارة اللازمة لانفصال الشريطين كبيرة دليل على درجة الترابيع بينهما • أي كلما كانت العلاقات التطورية أقرب بين نوعين كلما تشابه تتابع نيوكليوتيدات DNA بهما وزادت درجة التهجين بينهما	الاستخدامات

## انزيمات القصر البكتيرية

- توجد هذه الانزيمات في سلالات من البكتيريا - تم فصل ما يقرب من ٢٥٠ نوعا من هذه الانزيمات - بعض البكتيريا مثل **بكتيريا ايشرشيا كولاي** يمكنها ان تقاوم الفيروسات المتطفلة عليها ويرجع ذلك إلى وجود انزيمات تعرف على مواقع معينة في DNA الفيروسي وتقطع عند هذه المواقع وبذلك يصبح DNA الفيروسي قطع عديمة الفائدة
- لا تهاجم هذه الانزيمات DNA الخاص بالبكتيريا نفسها لأن البكتيريا تقوم بإضافة مجموعات ميثيل  $CH_3$  إلى النيوكليوتيدات التي تعرف عليها انزيمات القصر في DNA البكتيري بواسطة انزيمات معدلة مما يجعل DNA البكتيري مقاوما لتأثير هذا الانزيم
- كل انزيم يتعرف على تتابع معين للنيوكليوتيدات مكون من ٤-٧ نيوكليوتيدات ويقطع عند أو بالقرب منه بحيث يكون تتابع القواعد النيتروجينية عند موقع القطع يكون هو نفسه على كلا الشريطين عندما يتحرك في الاتجاه ٢-٣ لكل انزيم قصر القدرة على قطع جزئ DNA يفرض النظر عن مصدره ( فيروسي بكتيري نباتي حيواني انساني ) مادام هذا الجزء يحتوي على نسخة أو أكثر من تتابعات التعرف
- عندما تعرف انزيمات القصر على مواقع محددة على DNA فإنها تقطع عندها تاركة أطراف اللاصقة - تتشابه الأطراف اللاصقة في حاله استخدام نوع انزيم واحد - يمكن الربط بين أجزاء من DNA من خلال الأطراف اللاصقة المتكاملة باستخدام انزيمات الربط - بهذه الطريقة يمكن لصق قطع معينة من DNA بقطع أخرى من DNA آخر

استنساخ تتابعات DNA : يتم بطريقتين :-

١. باستخدام البلازميد : عزل DNA المراد استنساخه ومعالجته بإنزيمات قصر يؤدي إلى قطعه تاركة أطراف لاصقة .
- عزل البلازميد من خلايا بكتيرية ومعالجته بنفس انزيمات القصر السابقة ( يتعرف على نفس المواقع ويقطع عندها تارك نفس الأطراف اللاصقة )
- يستخدم انزيم الربط لكي تتزاوج الأطراف اللاصقة لكل من DNA والبلازميد ويتم إدخاله بعد ذلك إلى الخلية البكتيرية أو خلية خميرة بعد معاملتها ببعض المواد التي تزيد من نفاذية أغشية البكتيريا لكي تسمح بعبور البلازميد العادل ( معاد الاتحاد ) ومع انقسام خلايا البكتيريا تتضاعف البلازميدات .
- تم عزل هذه البلازميدات ومعالجتها بنفس انزيمات القصر السابقة لتقطع عند مواقع الاتحاد ويطلق الجين من البلازميد .
- يتم فصل الجينات عن البلازميدات بالطرد المركزي وبذلك يمكن الحصول على قطع DNA ( لتحليلها ومعرفة تتابع النيوكليوتيدات بها أو زرعها في خلايا أخرى )
- ب. باستخدام جهاز PCR :
- يقوم هذا الجهاز بمضاعفة قطع DNA باستخدام انزيم ( تاق بوليميريز )
- يعمل هذا الانزيم عند درجة حرارة مرتفعة ( يستخلص من بكتيريا تعيش في أجواء حارة جدا )
- يمكن باستخدام هذا الجهاز مضاعفة قطع DNA آلاف المرات في فترة زمنية قصيرة

كيف يمكن الحصول على DNA المراد نسخه ؟ يتم بطريقتين هما :-

١. بفصل DNA من المحتوى الجيني للخلية واستخدام انزيمات القصر للحصول على الجين المراد استنساخه
  - ب. من m-RNA كالاتي :-
  ١. يتم عزل m-RNA من بعض الخلايا النشطة ( مثل خلايا البنكرياس )
  ٢. يستخدم m-RNA كقالب لبناء شريط DNA بإنزيم النسخ العكسي ( يوجد في الفيروسات التي محتواها الجيني RNA )
  ٣. يتم إزالة m-RNA بتعليقه بالانزيمات
  ٤. يتم تكوين شريط DNA المتكامل معه بواسطة انزيم بلمرة DNA فنحصل على DNA ثولب مزدوج
- تحتوي الفيروسات التي محتواها الجيني RNA على شفرة انزيم النسخ العكسي حتى يمكنها تحويل مادتها الوراثية من RNA إلى DNA لكي ترتبط مع DNA لخلية العائل وبذلك تضمن تضاعفها



## الجيئوم البشري

### المجموعة الكاملة للجينات في خلايا الانسان

ترتب الكروموسومات حسب حجمها من الأكبر (١) الى الأصغر (٢٢) ويستثنى زوج الكروموسومات الجنسية من الترتيب بوضعه برقم (٢٣) رغم انه يأتي في الترتيب الثامن من حيث الحجم - في ١٩٨٠ ظهرت فكرة الجيئوم وكان عدد الجينات البشرية التي تعرف عليها العلماء حوالي ٤٥٠ جين وفي منتصف الثمانينات تضاعف العدد ثلاث مرات ليصل إلى ١٥٠٠ جين - بعض هذه الجينات كانت المسببة لزيادة الكوليسترول في الدم (أحد أسباب مرض القلب) وبعضها يهدد بالإصابة بالأمراض السرطانية. - يوجد ما بين ٦٠-٨٠ ألف جين في الإنسان موجودة على ثلاثة وعشرين زوجاً من الكروموسومات وقد تم اكتشاف تركيب أكثر من نصف هذه الجينات

رقم الكروموسوم	الجينات المحمولة عليه
٨	جين البصمة
٩	جينات تحدد فصيلة الدم A - B - O
١١	جين الأنسولين وجين الهيموجلوبين
٢٢ (X)	جين المي اللون وجين الهيموفيليا ولجينات المسؤولة عن تكوين الأعضاء الجنسية الأنثوية

الانزيم	دوره	تأثيره على الروابط
١. ديوكسي ريبونوكلياز	تفكيك DNA تعاملاً كاملاً	كسر روابط تساهمية وروابط هيدروجينية
٢. اللوب	فصل شريطي DNA	كسر روابط هيدروجينية
٣. البلمرة	بناء شريطي DNA جديد	تكوين روابط تساهمية
٤. الربط	ربط قطع شريطي DNA جديد اصلاح عيوب DNA	تكوين روابط تساهمية
٥. بلمرة RNA	بناء جزء RNA من قنابات أحد شريطي DNA	تكوين روابط تساهمية
الانزيم	دوره	تأثيره على الروابط
٦. القص	قطع DNA عند مواقع محددة	كسر روابط تساهمية وروابط هيدروجينية
٧. المعدلة	اشارة مجموعات متمثل الى مواقع التعرف على DNA	تكوين روابط تساهمية
٨. تاك بوليميريز	استنساخ قطع DNA	تكوين روابط تساهمية
٩. النسخ العكسي	بناء شريطي DNA من قنابات على mRNA	تكوين روابط تساهمية
١٠. تكوين بولي ببتيد	تكوين سلاسل عديد الببتيد	تكوين روابط ببتيدية

عدد الأحماض الأمينية	عدد الروابط الببتيدية المتكونة	عدد جزيئات الماء المتكونة	عدد كودونات mRNA	نكليوتيدات mRNA	نكليوتيدات DNA المزدوج	عدد لثات الجين (DNA)
س	ص	ع	ل	م	ن	ي
س	س-١	س-١	س-١	ل-٢	م-٢	ن-٢٠
٩٩	٩٨	٩٨	١٠٠	٣٠٠	٦٠٠	٢٠

تضاعف DNA	نسخ mRNA	تكوين الريبوسومات	تكوين الروابط الببتيدية	النواة	النوية	السيئوبلازم	الريبوسومات
✓ (حقيقيات النواة)	✓ (حقيقيات النواة)	X	X	X	X	✓ (اوليات النواة)	X
X	X	X	X	X	X	✓ (اوليات النواة)	X
X	X	X	X	X	X	✓ (اوليات النواة)	X
X	X	X	X	X	X	X	✓